

Fig. 1

XM048113 :	-----	*	20	*	40	*	60	*
ANH401 :	MAAVSLRLGDLVWGKLGRYPWPWPGKIVNPPKDLKKPRGKKCFVKFFGTEDHAWIKVEOLKPYHAHKEEM							
AF326966 :	MAAVSLRLGDLVWGKLGRYPWPWPGKIVNPPKDLKKPRGKKCFVKFFGTEDHAWIKVEOLKPYHAHKEEM							
XM048113 :	-----	80	*	100	*	120	*	140
ANH401 :	IKINKGKRFQQAVDAVEEFLRRAKGKDQTSSHNSDDKNRRNSSEERSRPNSGDEKRKLSISEGKVKKNM							
AF326966 :	IKINKGKRFQQAVDAVEEFLRRAKGKDQTSSHNSDDKNRRNSSEERSRPNSGDEKRKLSISEGKVKKNM							
XM048113 :	-----	160	*	180	*	200	*	*
ANH401 :	GEGKKRVSSGSSERGSKSPLKRAQEQSPRKGRPPKDEKDLTIPESSTVKGMAGPMAAFKWOPTASEPV							
AF326966 :	GEGKKRVSSGSSERGSKSPLKRAQEQSPRKGRPPKDEKDLTIPESSTVKGMAGPMAAFKWOPTASEPV							
XM048113 :	-----	220	*	240	*	260	*	280
ANH401 :	KDADPHFHHFLLSQTEKPAVCYQAITKKLKICEEEETGSTSIQAADSTAVNGSITPTDKKIGFLGLGLMGS							MGS
AF326966 :	KDADPHFHHFLLSQTEKPAVCYQAITKKLKICEEEETGSTSIQAADSTAVNGSITPTDKKIGFLGLGLMGS							
XM048113 :	-----	300	*	320	*	340	*	*
ANH401 :	GIVSNLLKMGHTVTWNRTAEKCDLFIQEGARLGRTPAEVVSTCDITFACVSDPKAAKDLVLGPMSGVLOG							
AF326966 :	GIVSNLLKMGHTVTWNRTAEK-----EGARLGRTPAEVVSTCDITFACVSDPKAAKDLVLGPMSGVLOG							
XM048113 :	-----	360	*	380	*	400	*	420
ANH401 :	IRPGKCYVDMSTVDADTVTELAVQIVSRGGRFLEAPVSGNQLSNDGMLVILAAGDRGLYEDCSSCFQAM							
AF326966 :	IRPGKCYVDMSTVDADTVTELAVQIVSRGGRFLEAPVSGNQLSNDGMLVILAAGDRGLYEDCSSCFQAM							
XM048113 :	-----	440	*	460	*	480	*	*
ANH401 :	GKTSSFLGEVGNAAKMMLIVNMVQGSFMATIAEGLTLAHVTGQSQTLLDILNQGOLASIFLDQKCQNL							
AF326966 :	GKTSSFLGEVGNAAKMMLIVNMVQGSFMATIAEGLTLAHVTGQSQTLLDILNQGOLASIFLDQKCQNL							
XM048113 :	-----	500	*	520	*	540	*	*
ANH401 :	QGNFKPDFYLKYIQLDLRLAIALGDAVNHPPTMAAAANEVYKRAKALDOSDNMSAVYRAYIH : 276							
AF326966 :	QGNFKPDFYLKYIQLDLRLAIALGDAVNHPPTMAAAANEVYKRAKALDOSDNMSAVYRAYIH : 553							
AF326966 :	QGNFKPDFYLKYIQLDLRLAIALGDAVNHPPTMAAAANEVYKRAKALDOSDNMSAVYRAYIH : 547							